KURABO

【研究専用】

NGS 解析サービス

研究の可能性を、もっと広げる。

サンプル調製からシーケンス、
データ解析までワンストップで対応。
基礎研究から応用研究までサポートします。



クラボウのNGS解析サービス 3つのポイント

1

データ解析・可視化
パッケージもご用意

2

RNA/DNA抽出も
ご相談可能です(別途費用)

3

国内解析にも対応
(一部のサービスを除きます)

サービスラインアップ(費用：1検体あたり)※取得データ量は目安となります

RNA-seq
(NovaSeq X、6G・2,000万リード/検体)

ライブラリー調製からシーケンス、
発現変動解析までワンストップで対応

検体数	ライブラリ調製~シーケンス
10検体~	¥23,000
20検体~	¥19,800
30検体~	¥19,000
データ解析(DEG、GO等)	¥4,300

メタゲノム:16S rRNA アンプリコンシーケンス
(NovaSeq 6000、20万リード/検体)

腸内細菌叢や環境サンプルなど
微生物多様性解析に対応

検体数	ライブラリ調製~シーケンス
20検体~	¥8,800
40検体~	¥7,100
60検体~	¥6,500
データ解析	¥1,000

Whole Genome Seq
(NovaSeq X)

既知ゲノム配列を利用した
リシーケンス解析サービス

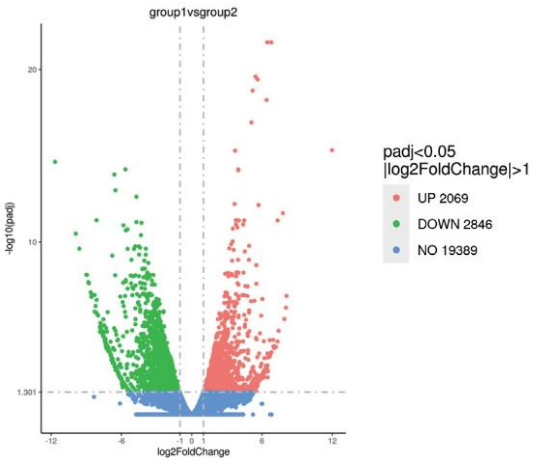
検体数	ライブラリ調製~シーケンス	
	45G/検体	90G/検体
5検体~	¥73,600	¥94,000
10検体~	¥65,000	¥85,500
20検体~	¥60,000	¥80,000

※上記の費用以外にデータ媒体の費用を頂戴します。費用はデータ量に合わせて変動します。USB：¥10,000~、HDD：¥40,000~

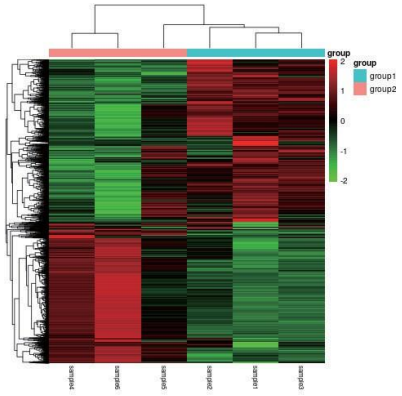
データ解析の一例

RNA-seq解析例

発現変動遺伝子（DEG）解析（ボルケーノプロット）



発現変動遺伝子のヒートマップ

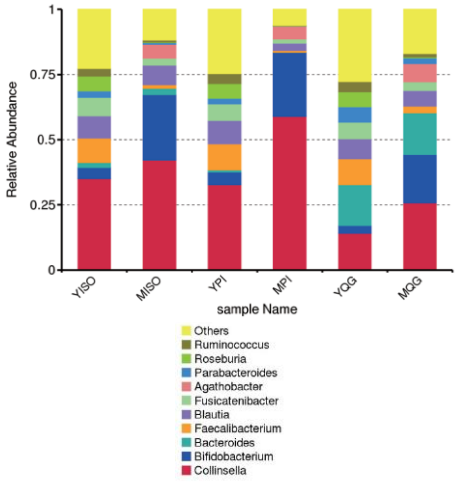


主な解析内容

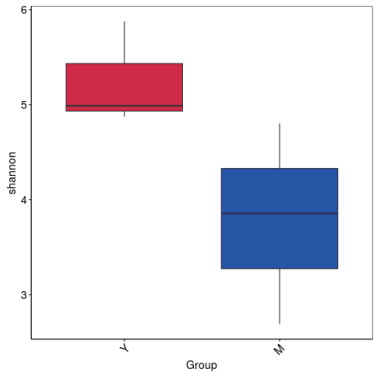
- 発現変動遺伝子(DEG)解析
- GO解析(機能カテゴリー解析)
- パスウェイ解析(KEGGなど)
- サンプル間のクラスタリング･PCA解析

16S メタゲノム解析例

菌種組成の比較



α多様性解析（Shannon index）



主な解析内容

- 菌種組成解析
- α多様性･β多様性解析
- グループ間の差異解析

※記載の解析データは一例です。実際の解析データではありません。 ※解析内容はご依頼内容によって異なることがあります。
※予告なく仕様が変更になることがあります。 ※記載の価格に消費税は含まれません。
※本サービスは医療用ではなく、研究用に限定して販売しております。いかなる場合にも人体や各種診断・治療、薬機法の適用される範囲内の研究用途、並びに治験データ取得を目的とした用途に使用しないでください。
※ご提供・ご指示いただくサンプル並びに解析結果から生じる工業所有権、安全性の問題等については、一切の責任を負いません。

KURABO 倉敷紡績株式会社
環境メカトロニクス事業部 ライフサイエンス部
大阪：〒572-0823 大阪府寝屋川市下木田町14-30 クラボウ先進技術センター2F
TEL.072-820-3079　FAX.072-820-3095
東京：〒105-0004 東京都港区新橋 6-19-15 東京美術倶楽部ビルディング 6F
TEL. 03-6371-1390　FAX. 03-6371-1396
URL：https://www.kurabo.co.jp/bio/

26.10 Ⓟ

販売代理店記入欄